
**WYKAZ OSIĄGNIĘĆ NAUKOWYCH ALBO
ARTYSTYCZNYCH, STANOWIĄCYCH ZNACZNY WKŁAD
W ROZWÓJ DYSCYPLINY NAUK BIOLOGICZNYCH**

dr inż. Piotr Gawroński

Katedra Genetyki, Hodowli i Biotechnologii Roślin

Instytut Biologii

Szkoła Główna Gospodarstwa Wiejskiego w Warszawie

Warszawa, 2023

I. WYKAZ OSIĄGNIĘĆ NAUKOWYCH, O KTÓRYCH MOWA W ART. 219 UST. 1. PKT 2 USTAWY

Osiągnięcie naukowe stanowi cykl pięciu, powiązanych tematycznie oryginalnych prac naukowych opublikowanych w czasopismach znajdujących się w bazie Journal Citation Reports o łącznym **IF 36,654** i punktacji **MEiN: 630 pkt.** Tytuł osiągnięcia:

Określenie roli translacji w chloroplastach i komunikacji chloroplast-jądro w odpowiedzi na stresy abiotyczne

Wykaz prac stanowiących osiągnięcie naukowe, wraz z określeniem wkładu w pracę:

P1. Gawroński, P., Burdiak, P., Scharff, L.B., Mielecki, J., Górecka, M., Zaborowska, M., Leister, D., Waszczak, C., Karpiński, S. (2021). CIA2 and CIA2-LIKE are required for optimal photosynthesis and stress responses in *Arabidopsis thaliana*. *Plant J.* 105: 619–638.

IF 2021 = 7,091

Lista MEiN 2021 = 140

Liczba cytowań = 16

*Mój udział w tej pracy polegał na współuczestniczeniu w pisaniu wniosku projektu, współuczestniczeniu w postawieniu hipotez naukowych, zaplanowaniu lub współuczestniczeniu w planowaniu wszystkich eksperymentów oraz wykonaniu większości eksperymentów (uzyskanie wszystkich mutantów i podwójnych mutantów, klonowanie genów, transformacja przejściowa *A. thaliana*, uzyskanie linii z nadekspresją CIA21-100:YFP, wykonanie pomiarów fluorescencji chlorofilu *a* i zawartości barwników fotosyntetycznych, analiza wrażliwości na UV-AB i HL, pomiary NPQ, P515 i asymilacji CO₂, wykonanie i analiza eksperymentu RNA-seq, wrażliwości na spektynomycynę, dojrzewania rRNA z wykorzystaniem elektroforezy kapilarnej i qPCR), nadzorowaniu eksperymentów wykonywanych przez innych członków zespołu badawczego, analizie uzyskanych danych, interpretacji uzyskanych wyników i wyciąganiu wniosków, przygotowaniu wszystkich rycin, współuczestniczeniu w pisaniu pracy i odpowiedzi na recenzje.*

P2. Gawroński, P., Jensen, P.E., Karpiński, S., Leister, D., Scharff, L.B. (2018). Pausing of chloroplast ribosomes is induced by multiple features and is linked to the assembly of photosynthetic complexes. *Plant Physiol.* 176: 2557–2569.

IF 2018 = 6,305

Lista MNiSW 2018 = 45

Liczba cytowań = 25

IF 2021 = 8,005

Lista MEiN 2021 = 140

Mój wkład polegał na zaplanowaniu lub współuczestniczeniu w planowaniu eksperymentów i analiz bioinformatycznych, przygotowaniu skryptów w języku R służących przeprowadzeniu wszystkich analiz bioinformatycznych prezentowanych w pracy, przygotowaniu wszystkich rycin, interpretacji uzyskanych wyników i wyciąganiu wniosków, współuczestniczeniu w pisaniu pracy i współuczestniczeniu w odpowiedzi na recenzje.

P3. Gawroński, P., Pałac, A., Scharff, L.B. (2020). Secondary structure of chloroplast mRNAs in vivo and in vitro. *Plants* 9: 323.

IF 2020 = 3,935

Lista MEiN 2020 = 70

Liczba cytowań = 6

IF 2021 = 4,658

Mój wkład w tę pracę polegał na uzyskaniu finansowania, zaplanowaniu eksperymentów i analiz we współpracy z L.B.S, przeprowadzeniu eksperymentów i nadzorowaniu eksperymentów przeprowadzonych przez A.P., przygotowaniu skryptów w języku R służących analizie bioinformatycznej wszystkich uzyskanych wyników, predykcji struktury II-rzędowej RNA, przygotowaniu wszystkich prezentowanych rycin, interpretacji uzyskanych wyników i wyciąganiu wniosków, napisaniu manuskryptu we współpracy z L.B.S. i odpowiedzi na recenzje.

P4. Gawroński, P., Enroth, C., Kindgren, P., Marquardt, S., Karpiński, S., Leister, D., Jensen, P., Vinther, J., Scharff, L. (2021). Light-dependent translation change of Arabidopsis psbA correlates with RNA structure alterations at the translation initiation region. *Cells* 10: 322.

IF 2021 = 7,666

Lista MEiN 2021 = 140

Liczba cytowań = 7

Mój udział w tej pracy polegał na współuczestniczeniu w uzyskaniu finansowania, współuczestniczeniu w postawieniu hipotez naukowych, współuczestniczeniu w planowaniu eksperymentów, wykonaniu eksperymentów DMS-MaPseq, predykcji struktury II-rzędowej RNA, przeprowadzeniu analizy bioinformatycznej wszystkich uzyskanych wyników (z wyłączeniem wstępnej analizy SHAPE-seq, wykonanej przez C.E. i J.V.), interpretacji uzyskanych wyników i wyciąganiu wniosków, przygotowaniu wszystkich rycin, współuczestniczeniu w przygotowaniu manuskryptu i odpowiedzi na recenzje.

P5. Qureshi, M.K., Gawroński, P., Munir, S., Jindal, S., Kerchev, P. (2022). Hydrogen peroxide-induced stress acclimation in plants. *Cell. Mol. Life Sci.* 79: 129.

IF 2021 = 9,234

Lista MEiN 2022 = 140

Liczba cytowań = 4

Mój wkład w tę publikację polegał na zaplanowaniu i napisaniu we współpracy z P.K. manuskryptu, w szczególności napisaniu części o wpływie H₂O₂ na translację, zróżnicowaniu rybosomów, opisanu ścieżek sygnałowych zależnych od TOR i GCN2, zależności modyfikacji RNA od H₂O₂ i przygotowaniu rycin przedstawionych w pracy.

II. WYKAZ AKTYWNOŚCI NAUKOWEJ

II.1 Wykaz opublikowanych monografii naukowych

Brak

II.2 Wykaz opublikowanych rozdziałów w monografiach naukowych

Przed uzyskaniem stopnia doktora

Brak

Po uzyskaniu stopnia doktora

Szechyńska-Hebda, M., Burdiak P., **Gawroński, P.**, Górecka, M., Kulasek, M., Karpiński, S. (2015). Plant physiomics: Photoelectrochemical and molecular retrograde signalling in plant acclimatory and defence responses. *PlantOmics: The Omics of Plant Science* pp 439–457.

II.3 Wykaz członkostwa w redakcjach naukowych monografii

Brak

II.4 Wykaz opublikowanych artykułów w czasopismach naukowych

Przed uzyskaniem stopnia doktora

1. Bartoszewski, G., **Gawronski, P.**, Szklarczyk, M., Verbakel, H., Havey, M.J. (2009). A one-megabase physical map provides insights on gene organization in the enormous mitochondrial genome of cucumber. *Genome* **307**: 299–307.

IF 2009 = 1,709

Lista MNiSW 2009 = 20

Liczba cytowań = 10

IF 2021 = 2,449

Lista MEiN 2021 = 70

2. Wóycicki R., Witkiewicz J., **Gawroński P.**, Dąbrowska J., Lomsadze A., Pawełkiewicz M., Siedlecka E., Yagi K., Pląder W., Seroczyńska A., Śmiech M., Gutman W., Niemirowicz-Szczytt K., Bartoszewski G., Tagashira N., Hoshi Y., Borodovsky M., Karpiński S., Malepszy S., Przybecki Z. (2011). The genome sequence of the North-European cucumber (*Cucumis sativus* L.) unravels evolutionary adaptation mechanisms in plants. *PLoS One* **6**: e22728.

IF 2009 = 4,092

Lista MNiSW 2011 = 40

Liczba cytowań = 87

IF 2021 = 3,752

Lista MEiN 2021 = 100

3. Lozano-Torres, J.L., Wilbers R.H.P., **Gawronski P.**, Boshoven J.C., Finkers-Tomczak A., Cordewener J.H.G., America A.H.P., Overmars H.A., Van 't Klooster J.W., Baranowski L., Sobczak M., Ilyas M., van der Hoorn R.A.L., Schots A., de Wit P.J.G.M., Bakker J., Goverse A., Smant G., (2012). Dual disease resistance mediated by the immune receptor Cf-2 in tomato requires a common virulence target of a fungus and a nematode. *Proc. Natl. Acad. Sci.* **109**: 10119–10124.

IF 2009 = 9,737

Lista MNiSW 2012 = 45

Liczba cytowań = 181

IF 2021 = 12,779 Lista MEiN 2021 = 200

4. Bartoszewski, G., Waszczak, C., **Gawroński, P.**, Stępień, I., Bolibok-Brągoszewska, H., Palloix, A., Lefebvre, V., Korzeniewska, A., Niemirowicz-Szczytt, K. (2012). Mapping of the ms8 male sterility gene in sweet pepper (*Capsicum annuum* L.) on the chromosome P4 using PCR-based markers useful for breeding programmes. *Euphytica*. **186**: 453–461.

IF 2009 = 1,643 Lista MNiSW 2012 = 30 Liczba cytowań = 26

IF 2021 = 2,185 Lista MEiN 2021 = 70

5. **Gawroński, P.**, Górecka, M., Bederska, M., Rusaczonek, A., Ślesak, I., Kruk, J., Karpiński, S. (2013). Isochorismate synthase 1 is required for thylakoid organization, optimal plastoquinone redox status, and state transitions in *Arabidopsis thaliana*. *J. Exp. Bot.* **64**: 3669–3679.

IF 2009 = 5,794 Lista MNiSW 2013 = 45 Liczba cytowań = 16

IF 2021 = 7,378 Lista MEiN 2021 = 140

6. **Gawroński, P.**, Witoń, D., Vashutina, K., Bederska, M., Betliński, B., Rusaczonek, A., Karpiński, S. (2014). Mitogen-activated protein kinase 4 is a salicylic acid-independent regulator of growth but not of photosynthesis in *Arabidopsis*. *Mol. Plant* **7**: 1151–1166.

IF 2009 = 6,337 Lista MNiSW 2014 = 45 Liczba cytowań = 65

IF 2021 = 21,949 Lista MEiN 2021 = 140

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. Rusaczonek, A., Czarnocka, W., Kacprzak, S., Witoń, D., Ślesak, I., Szechyńska-Hebda, M., **Gawroński, P.**, Karpiński, S. (2015). Role of phytochromes A and B in the regulation of cell death and acclimatory responses to UV stress in *Arabidopsis thaliana*. *J. Exp. Bot.* **66**.

IF 2015 = 5,677 Lista MNiSW 2015 = 45 Liczba cytowań = 36

IF 2021 = 7,378 Lista MEiN 2021 = 140

2. Mróz, T.L., Ziółkowska, A., **Gawroński, P.**, Pióro-Jabrucka, E., Kacprzak, S., Mazur, M., Malepszy, S., Bartoszewski, G. (2015). Transgenic cucumber lines expressing the chimeric pGT::Dhn24 gene do not show enhanced chilling tolerance in phytotron conditions. *Plant Breed.* **134**: 468–476.

IF 2015 = 1,502 Lista MNiSW 2015 = 25 Liczba cytowań = 2

IF 2021 = 2,536 Lista MEiN 2021 = 70

3. Witoń, D., **Gawroński, P.**, Czarnocka, W., Ślesak, I., Rusaczonek, A., Sujkowska-Rybkowska, M., Bernacki, M.J., Dąbrowska-Bronk, J., Tomsia, N., Szechyńska-Hebda, M., Karpiński, S.

(2016). Mitogen activated protein kinase 4 (MPK4) influences growth in *Populus tremula* L. × *tremuloides*. Environ. Exp. Bot. 130.

IF 2016 = 4,369 Lista MNiSW 2016 = 40 Liczba cytowań = 13

IF 2021 = 6,028 Lista MEiN 2021 = 100

4. **Gawroński, P.**, Pawełkowicz, M., Tofil, K., Uszyński, G., Sharifova, S., Ahluwalia, S., Tyrka, M., Wędzony, M., Kilian, A., Bolibok-Brągoszewska, H. (2016). DArT markers effectively target gene space in the rye genome. Front. Plant Sci. 7.

IF 2016 = 4,291 Lista MNiSW 2016 = 40 Liczba cytowań = 21

IF 2021 = 6,627 Lista MEiN 2021 = 100

5. Barczak-Brzyżek, A.K., Kielkiewicz, M., **Gawroński, P.**, Kot, K., Filipecki, M., Karpińska, B. (2017). Cross-talk between high light stress and plant defence to the two-spotted spider mite in *Arabidopsis thaliana*. Exp. Appl. Acarol. 73: 177–189.

IF 2017 = 1,929 Lista MNiSW 2017 = 35 Liczba cytowań = 14

IF 2021 = 2,38 Lista MEiN 2021 = 100

6. Pulido, P., Zagari, N., Manavski, N., **Gawroński, P.**, Matthes, A., Scharff, L.B., Meurer, J., Leister, D. (2018). CHLOROPLAST RIBOSOME ASSOCIATED supports translation under stress and interacts with the ribosomal 30S subunit. Plant Physiol. 177: 1539–1554.

IF 2018 = 6,305 Lista MNiSW 2018 = 45 Liczba cytowań = 18

IF 2021 = 8,005 Lista MEiN 2021 = 140

7. Borzęcka, E. Hawliczek-Strulak A., Bolibok L., **Gawroński P.**, Tofil K., Milczarski P., Stojalowski S., Myśków B., Targońska-Karasek M., Grądzielewska A., Smolik M., Kilian A., Bolibok-Brągoszewska H., (2018). Effective BAC clone anchoring with genotyping-by-sequencing and Diversity Arrays Technology in a large genome cereal rye. Sci. Rep. 8: 8428.

IF 2018 = 4,011 Lista MNiSW 2018 = 40 Liczba cytowań = 3

IF 2021 = 4,997 Lista MEiN 2021 = 140

8. Barczak-Brzyżek, A., Brzyżek, G., Koter, M., **Gawroński, P.**, Filipecki, M. (2019). Exposure to high-intensity light systemically induces micro-transcriptomic changes in *Arabidopsis thaliana* roots. Int. J. Mol. Sci. 20: 5131.

IF 2019 = 4,556 Lista MEiN 2019 = 140 Liczba cytowań = 8

IF 2021 = 6,208

9. Mielecki, J., **Gawroński, P.**, Karpiński, S. (2020). Retrograde signaling: understanding the communication between organelles. *Int. J. Mol. Sci.* 21: 6173.

IF 2020 = 5,924

Lista MEiN 2020 = 140

Liczba cytowań = 22

IF 2021 = 6,208

10. Hawliczek, A., Bolibok, L., Tofil, K., Borzęcka, E., Jankowicz-Cieślak, J., **Gawroński, P.**, Kral, A., Till, B.J., Bolibok-Brągoszewska, H. (2020). Deep sampling and pooled amplicon sequencing reveals hidden genic variation in heterogeneous rye accessions. *BMC Genomics* 21: 845.

IF 2020 = 3,969

Lista MEiN 2020 = 140

Liczba cytowań = 5

IF 2021 = 4,558

11. Górecka, M., Lewandowska, M., Dąbrowska-Bronk, J., Białasek, M., Barczak-Brzyżek, A., Kulasek, M., Mielecki, J., Kozłowska-Makulska, A., **Gawroński, P.**, Karpiński, S. (2020). Photosystem II 22kDa protein level - a prerequisite for excess light-inducible memory, cross-tolerance to UV-C and regulation of electrical signalling. *Plant. Cell Environ.* 43: 649–661.

IF 2020 = 7,228

Lista MEiN 2020 = 140

Liczba cytowań = 12

IF 2021 = 7,947

12. Brzyżek, A.B., Brzyżek, G., Koter, M., Siedlecka, E., **Gawroński, P.**, Filipecki M. (2022). Plastid retrograde regulation of miRNA expression in response to light stress. *BMC Plant Biol.* 22: 150.

IF 2021 = 5,26

Lista MEiN 2022 = 140

Liczba cytowań = 3

13. Burdiak P., Mielecki J., **Gawroński P.**, Karpiński S. (2022). The CRK5 and WRKY53 are conditional regulators of senescence and stomatal conductance in *Arabidopsis*. *Cells* 11: 3558

IF 2021 = 7,666

Lista MEiN 2022 = 140

Liczba cytowań = 0

14. Mielecki J., **Gawroński P.**, Karpiński S. (2022). Aux/IAA11 is required for UV-AB tolerance and auxin sensing in *Arabidopsis thaliana*. *Int. J. Mol. Sci.* 23: 13386

IF 2021 = 6,208

Lista MEiN 2022 = 140

Liczba cytowań = 0

II.5 Wykaz osiągnięć projektowych, konstrukcyjnych, technologicznych

Brak

II.6 Wykaz publicznych realizacji dzieł artystycznych

Brak

II.7 Wykaz wystąpień na krajowych lub międzynarodowych konferencjach naukowych lub artystycznych, z wyszczególnieniem przedstawionych wykładów na zaproszenie i wykładów plenarnych

Referaty w języku angielskim

1. Woycicki R., Witkowicz J., **Gawroński P.**, Dabrowska J., Lomsadze A., Pawelkowicz M., Siedlecka E., Yagi K., Plader W., Seroczynska A., Smiech M., Gutman W., Niemirowicz-Szczytt K., Bartoszewski G., Tagashira N., Hoshi Y., Borodovsky M., Karpinski S., Malepszy S., Przybecki Z. Cucumber (*Cucumis sativus* L.) genome sequencing and comparative analysis *Plant and Animal Genome XX Conference*, San Diego, USA, 14-18 stycznia 2012
2. Bolibok-Bragoszewska H., **Gawroński P.**, Hawliczek – Strulak A., Borzęcka E., Tofil K., Yagi K., Pawelkowicz M., Schmitter K., Ringauf A., Plader W., Przybecki Z. 2016. Development of genomics resources in a large-genome non-model species *Secale cereale* L. *V Polski Kongres Genetyki*, Łódź, Polska, 19-22 września 2016
3. Hawliczek A., Borzęcka E., Alachiotis N., Tofil K., **Gawroński P.**, Siekmann D., Hackauf B., Dušinský R., Švec M., Bolibok-Bragoszewska H. Insights into influence of domestication and selection on the rye (*Secale* L.) genome based on GBS genotyping of diverse accessions with different origin and improvement status. *5th Conference on Cereal Biotechnology and Breeding*, Budapeszt, Węgry, 4-7 listopada, 2019

Referaty w języku polskim

1. Borzęcka E., Hawliczek A., **Gawroński P.**, Pawelkowicz M., Tofil K. Bolibok-Bragoszewska H. Biblioteka BAC i technologia Oxford Nanopore w poszukiwaniu genów warunkujących istotne użytkowo cechy żyta. *XIV Ogólnopolska Konferencja Naukowa Nauka dla Hodowli i Nasiennictwa roślin uprawnych*, Zakopane, Polska, 5-8 lutego 2019

Postery w języku angielskim

1. **Gawroński P.** i in. Genome-wide analysis of ABRE, DRE and ERE cis-regulatory elements revealed Darwinian fitness mechanisms in higher plants, *SEB Annual Meeting*, Praga, Czechy, 30 czerwca – 3 lipca 2010
2. **Gawroński P.** i in. MPK4 – Does It Regulate Photosynthesis? *Vienna International Plant Conference Association*, Wiedeń, Austria, 21-25 lutego 2012
3. Górecka M., **Gawroński P.**, Karpiński S. Role of Salicylic Acid in Photosynthesis Adjustment. *Vienna International Plant Conference Association*, Wiedeń, Austria 21-25 lutego 2012
4. Betliński B., Vashutina K., **Gawroński P.**, Karpiński S. Identification, phylogenetic analyses and subcellular localization of Protein Phosphatases 2C type (PP2Cs) in *Populus trichorapa*. *11th International POG Conference*, Warszawa, Polska 17-19 lipca 2013
5. **Gawroński P.**, Węclawski J., Bilski P., Karpiński S. A novel framework for the identification and characterization of putative positive and negative cis-acting regulatory elements in *Arabidopsis thaliana*. *SEB Annual Meeting*, Manchester, Wielka Brytania, 2014
6. **Gawroński P.** i in. A novel framework for the identification and characterization of putative negative cis-acting regulatory elements in *Arabidopsis thaliana*, *PAG*, San Diego, CA, USA, 10-14 stycznia 2015
7. Bolibok-Bragoszewska H., **Gawroński P.**, Pawelkowicz M., Uszyński G., Ahluwalia S., Ceglińska A., Wróblewska J., Tyrka M., Wędzony M., Kilian A., 2015 DArT markers sequences facilitate functional, comparative and structural genomics of rye. *International Conference on Rye Breeding and Genetics*, Wrocław, Polska, 24-26 czerwca 2015

8. Borzecka E., Hawliczek-Strulak A., Tofil K., **Gawroński P.**, Bolibok-Bragoszewska H. High-throughput anchoring of BAC clones onto rye genetic map using DArTSeq technology. *8th International Triticeae Symposium*, Wernigerode/Gatersleben, Niemcy, 12-16 czerwca 2017
9. **Gawroński P.**, Burdiak P., Mielecki J., Scharff L.B., Kozłowska-Makulska A., Zaborowska M., Karpiński S. CIA2 and CIL transcription factors are required for optimal photosynthesis in *Arabidopsis thaliana*. *SEB Annual Meeting*, Gothenburg, Szwecja, 3-6 lipca 2017
10. Hawliczek-Strulak A., Tofil K., Borzecka E., **Gawroński P.**, Bolibok-Bragoszewska H. Investigation of genetic diversity patterns and search for selective sweeps in a worldwide collection of rye. *EUCARPIA Cereal section meeting* Clermont-Ferrand, Francja, 19-21 marca 2018
11. Borzecka, E., Hawliczek-Strulak, A., Tofil, K., **Gawroński, P.**, Bolibok-Bragoszewska, H. „A search for domestication footprints in rye (*Secale cereale* L.)”. *Third Jack R. Harlan International Symposium Dedicated to the Origins of Agriculture and the Domestication, Evolution and Utilization of Genomic Resources*, Montpellier, Francja, 03-07 czerwca 2019,
12. Hawliczek A., Bolibok L., Borzecka E., Tofil K., **Gawroński P.**, Świącicka M., Bolibok-Bragoszewska H. A search for genetic determinants of phosphorus deficiency tolerance in rye (*Secale cereale* L.). *5th Conference on Cereal Biotechnology and Breeding* Budapeszt, Węgry, 4-7 listopada 2019
13. **Gawroński P.**, Enroth C., Scharff L.B. Translation of the psbA is regulated by mRNA secondary structure changes. *24th Annual Meeting of the RNA Society*, Kraków, Polska, 11-16 czerwca 2019
14. Barczak-Brzyzek A., **Gawroński P.**, Koter M., Filipecki M. Plastid retrograde control of miRNAs expression in response to light stress. *24th Annual Meeting of the RNA Society*, Kraków, Polska, 11-16 czerwca 2019

Postery w języku polskim

1. **Gawroński P.**, Karpiński S., Analiza cis-regulatorowych elementów ABRE, DRE i ERE ujawnia mechanizm Darwinowskiej konkurencyjności u roślin wyższych, III Polski Kongres Genetyki, Lublin, Polska, 12-15 września 2010
2. Borzecka E., Hawliczek A., **Gawroński P.**, Pawełkowicz M., Tofil K., Bolibok-Bragoszewska H. Biblioteka BAC i technologia Oxford Nanopore w poszukiwaniu genów warunkujących istotne użytkowo cechy żyta. XIV Ogólnopolska Konferencja Naukowa Nauka dla Hodowli i Nasiennictwa roślin uprawnych, Zakopane, Polska, 5-8 lutego 2019

Wygłaszane referaty na zaproszenie w języku angielskim

1. **Gawroński P.**, Vashutina K., Kozłowska-Makulska A., Bederska M., Witoń D., Rusaczonek A., Karpiński S. MPK4 is involved in growth and photosynthesis regulation, *11th International POG Conference*, Warszawa, Polska, 17-19 lipca 2013
2. **Gawroński P.**, Węclawski J., Bilski P., Karpiński S. A novel framework for the identification and characterization of putative positive and negative *cis*-acting regulatory elements in *Arabidopsis thaliana*. *SEB Annual Meeting*, Manchester, Wielka Brytania, 2014
3. **Gawroński P.**, Chloroplast localized transcription factors in chloroplast-to-nucleus retrograde signaling. *Seminar in Copenhagen Plant Science Centre*, Copenhagen, Dania, 3 grudnia 2015
4. **Gawroński P.** ISOCHORISMATE SYNTHASE 1 is required for thylakoid organization, optimal plastoquinone redox status and state transitions in *Arabidopsis thaliana*, *Seminar in Copenhagen Plant Science Centre*, Copenhagen, Dania, 24 marca 2015
5. **Gawroński P.**, Burdiak P., Mielecki J., Scharff L.B., Kozłowska-Makulska A., Zaborowska M., Karpiński S. CIA2 and CIL transcription factors are required for optimal photosynthesis in *Arabidopsis thaliana*. Gothenburg, Szwecja, *SEB Annual Meeting*, 3-6 lipca 2017

Wygłaszane referaty na zaproszenie w języku polskim

1. **Gawroński P.** Pauzowanie rybosomów na mRNA. *Seminarium w Katedrze Genetyki Hodowli i Biotechnologii Roślin*, SGGW, Warszawa, Polska, 16 marca 2018.
2. **Gawroński P.** Translation of the psbA is regulated by mRNA secondary structure changes, *Seminarium Instytutu Biochemii i Biofizyki PAN*, Warszawa, Polska 25 kwietnia 2019.
3. **Gawroński P.** Wpływ struktury drugorzędowej mRNA na wydajność translacji, *Seminarium w Katedrze Genetyki Hodowli i Biotechnologii Roślin*, SGGW, Warszawa, Polska, 5 kwietnia 2019
4. **Gawroński P.** Dual-targeted transcription factors are required for optimal photosynthesis and stress responses in *Arabidopsis thaliana*, *Seminarium w Katedrze Genetyki Hodowli i Biotechnologii Roślin*, SGGW, Warszawa, Polska, 13 grudnia 2019
5. **Gawroński P.** Ekspresja genów chloroplastowych w warunkach stresu świetlnego, *Genetyka Aplikacyjna Roślin – wyzwania XXI wieku*, Warszawa, Polska, 22–24 września 2021

II.8 Wykaz udziału w komitetach organizacyjnych i naukowych konferencji krajowych lub międzynarodowych, z podaniem pełnionej funkcji

1. Współorganizator Szkoły Letniej „Genomics for Plant Breeding and Biotechnology” w ramach sieci Euroleague for Life Sciences (ELLS), prowadziłem ćwiczenia „RNA-seq”, 19-25 sierpnia 2018
2. Organizacja konferencji „Genetyka Aplikacyjna Roślin – wyzwania XXI wieku” 22 – 24.09.2021 – pełniona funkcja: członek komitetu organizacyjnego
3. Jestem głównym organizatorem szkoły letniej „From discovery to implementation – utilising genomics for plant breeding” w ramach sieci Euroleague for Life Sciences (ELLS), zajęcia szkoły letniej będą odbywały się w dniach 11-16 września 2023

II.9 Wykaz uczestnictwa w pracach zespołów badawczych realizujących projekty finansowane w drodze konkursów krajowych lub zagranicznych, z podziałem na projekty zrealizowane i będące w toku realizacji, oraz z uwzględnieniem informacji o pełnionej funkcji w ramach prac zespołów

1. Projekt FNP, WELCOME 2008/1, pt. “Functional Analysis of Genetic, Molecular and Quantum Mechanisms that Regulate Plants Productivity and Biotechnologies for Cell Wall Degradation and Hydrogen Production” – **stypendysta, doktorant**, 2009-2013
2. Projekt FNP, SKILLS – INTER, 170/UD/SKILLS/2012, pt. “Analiza DNA u roślin, czyli jak znaleźć igłę w stogu siana” – **kierownik projektu**, 2013-2014
3. Projekt NCN, OPUS, UMO-2013/11/B/NZ3/00973, pt. „Identyfikacja i analiza funkcjonalna genów kodujących potencjalne czynniki biorące udział w retroaktywnych sygnałach z chloroplastów do jądra podczas odpowiedzi obronnych i aklimatyzacyjnych u *Arabidopsis*” – **główny wykonawca**, 2014-2018
4. Projekt NCN, MAESTRO, UMO-2014/14/A/NZ1/00218, pt. „Nowe molekularne i komórkowe mechanizmy śmierci komórki zależne od chloroplastowych retrosygnatów oraz ich znaczenie w regulacji produktywności i odporności na stresy środowiskowe u *Arabidopsis thaliana*” – **wykonawca**, 2015-2021
5. Projekt NCN, SONATA, UMO-2016/23/D/NZ3/02491, pt. „Regulacja elongacji translacji w chloroplastach przez reaktywne formy tlenu, status redoks i gradient protonowy” – **kierownik projektu**, 2017-2022
6. Projekt NCN, SONATA-BIS, UMO-2021/42/E/NZ3/00274, pt. „Rola ekspresji i modyfikacji tRNA w procesie translacji w chloroplastach podczas stresu” – **kierownik projektu**, 2022-2027

II.10 Wykaz członkostwa w międzynarodowych lub krajowych organizacjach i towarzystwach naukowych wraz z informacją o pełnionych funkcjach

The Society for Experimental Biology – Członek od 2014 r.

II.11 Wykaz staży w instytucjach naukowych lub artystycznych, w tym zagranicznych, z podaniem miejsca, terminu, czasu trwania stażu i jego charakteru

1. Staż naukowy w Wageningen University, Laboratory of Nematology, Holandia, 5 miesięcy (11.2008 - 04.2009) – eksperymenty qRT-PCR, klonowanie genów i potwierdzenie interakcji za pomocą BiFC,
2. Staż Naukowy w ramach projektu FP7-REGPOT (Warsaw Plant Health Initiative, EU FP7, n°286093) w University of Leeds, Wielka Brytania, 3 miesiące (05.2013 - 08.2013) – pomiary asymilacji CO₂ i wydajności PSII, pomiary statusu redoks w chloroplastach,
3. Staż naukowy w ramach projektu NCN, OPUS (UMO-2013/11/B/NZ3/00973) w Copenhagen Plant Science Centre, Dania, 11 miesięcy (03.2015 - 02.2016), identyfikacja i charakterystyka czynników transkrypcyjnych zaangażowanych w komunikację chloroplast-jądro, analiza translacji w chloroplastach.

II.12 Wykaz członkostwa w komitetach redakcyjnych i radach naukowych czasopism wraz z informacją o pełnionych funkcjach (np. redaktora naczelnego, przewodniczącego rady naukowej, itp.)

1. Review Editor w Frontiers in Plant Science (Plant Cell Biology section)

II.13 Wykaz recenzowanych prac naukowych lub artystycznych, w szczególności publikowanych w czasopismach międzynarodowych

1. Acta Physiologiae Plantarum (2021) – 1
2. Frontiers in Plant Sciences (2022-2023) – 5
3. Plants (2020-2021) – 2

II.14 Wykaz uczestnictwa w programach europejskich lub innych programach międzynarodowych

Brak

II.15 Wykaz udziału w zespołach badawczych, realizujących projekty inne niż określone w pkt. II.9

Brak

II.16 Wykaz uczestnictwa w zespołach oceniających wnioski o finansowanie badań, wnioski o przyznanie nagród naukowych, wnioski w innych konkursach mających charakter naukowy lub dydaktyczny

1. Ocena 14 wniosków na badania w ramach szkoły doktorskiej na Uniwersytecie w Helsinkach (Doctoral Programme in Plant Sciences [DPPS]), Finlandia, 2022

III. WSPÓŁPRA Z OTOCZENIEM SPOŁECZNYM I GOSPODARCZYM

III.1 Wykaz dorobku technologicznego

Brak

III.2 Współpraca z sektorem gospodarczym

1. 2020 – obecnie: współpraca z firmami i instytucjami naukowymi (w sumie 29 instytucji) jako Wydziałowy Koordynator ds. Współpracy z Otoczeniem Gospodarczym

III.3 Wykaz uzyskanych praw własności przemysłowej, w tym uzyskanych patentów krajowych lub międzynarodowych

Brak

III.4 Wykaz wdrożonych technologii

Brak

III.5 wykaz wykonanych ekspertyz lub innych opracowań wykonanych na zamówienie instytucji publicznych lub przedsiębiorców

Brak

III.6 Wykaz udziału w zespołach eksperckich lub konkursowych

Brak

III.7 Wykaz projektów artystycznych realizowanych ze środowiskami pozaartystycznymi

Brak

IV. DANE NAUKOMETRYCZNE

IV.1 Impact Factor (w dziedzinach i dyscyplinach, w których parametr ten jest powszechnie używany jako wskaźnik naukometryczny).

Sumaryczny impact factor: **169,152 (132,438 na dzień publikacji)**

IV.2 Liczba cytowań publikacji wnioskodawcy, z oddzielnym uwzględnieniem autocytowań.

Liczba cytowań według bazy Web of Science Core Collection: **600**, w tym **581 bez autocytowań**

Liczba cytowań według bazy Google Scholar: **833**

IV.3 Indeks Hirscha


Indeks Hirsha według bazy Web of Science: **13**

Indeks Hirsha według bazy Google Scholar: **14**

Informacje zawarte w pkt. IV powinny wskazywać również na bazę danych, na podstawie której zostały podane.

Przy wyborze tej bazy należy zwracać uwagę na specyfikę dziedziny i dyscypliny naukowej, w której kandydat ubiega się o nadanie stopnia doktora habilitowanego.

Rada Doskonałości Naukowej informuje, że podawanie danych naukometrycznych – w opinii Rady Doskonałości Naukowej – jest wskazane i zalecane, wynika to także ze stosowanej powszechnie praktyki przez samych kandydatów ubiegających się o awans naukowy. Należy jednak podkreślić, że podane we wnioskach o wszczęcie postępowania awansowego dane naukometryczne nie mogą stanowić kryterium oceny dorobku naukowego Kandydata dla podmiotów doktoryzujących, habilitujących oraz samej Rady Doskonałości Naukowej, organów prowadzących postępowania w sprawie nadania stopnia lub tytułu. Zadaniem tych organów jest przede wszystkim ocena ekspercka dorobku naukowego Kandydata ubiegającego się o awans naukowy, zaś decyzja o nadaniu stopnia lub tytułu nie powinna być uzależniona od podania tych danych.



(podpis wnioskodawcy)